Sequence Listing

SEQ ID NO: 1: SAP amino acid sequence

A G K T F P D V P A D H W G I D

S I N Y L V E K G A V K G N D

K G M F E P G K E L T R A E A

A T M M A Q I L N L P I D K D

A K P S F A D S Q G Q W Y T P

F I A A V E K A G V I K G T G

N G F E P N G K I D R V S M A

S L L V E A Y K L D T K V N G

T P A T K F K D L E T L N W G

K E K A N I L V E L G I S V G

T G D Q W E P K K T V T K A E

A A Q F I A K T D K Q F G T E

A A K V E S A K A V T T Q K V

E V K F S K A V E K L T K E D

I K V T N K A N N D K V L V K

E V T L S E D K R S A T V E L

Y S N L A A K Q T Y T V D V N

K V G K T E V A V G S L E A K

T I E M A D Q T V V A D E P T

A L Q F T V K D E N G T E V V

S P E G I E F V T P A A E K I

N A K G E I T L A K G T S T T

V K A V Y K K D G K V V A E S

K E V K V S A E G A A V A S I

S N W T V A E Q N K A D F T S

K D F K Q N N K V Y E G D N A

Y V Q V E L K D Q F N A V T T

GKVEYESLNTEVAVV

DKATGKVTVLSAGKA

PVKVTVKDSKGKALV

SHTVEIEAFAQKAMK

DIKLEKTNVALSTKD

VTDLKVKAPVLDQYG

KEFTAPVTVKVLDKD

GKELKEQKLEAKYVN

RELVLNAAGQEAGNY

TVVLTAKSGEKEAKA

TLALELKAPGAFSKF

EVRGLDTELDKYVTE

ENQKNAMTVSVLPVD

ANGLVLKGAEAAELK

VTTTNKEGKEVDATD

AQVTVQNNSVITVGQ

GAKAGETYKVTVVLD

GKLITTHSFKVVDTA

PTAKGLAVEFTSTSL

KEVAPNADLKAALLN

ILSVDGVPATTAKAT

ASNVEFVSADTNVVA

ENGTVGAKGATSIYV

KNLTVVKDGKEQKVE

FDKAVQVAVSIKEAK

PATK

SEQ ID NO: 2 SAP nucleotide sequence

AAAACATTCCCAGACGTTCCTGCTGATCACTG
GGGAATTGATTCCATTAACTACTTAGTAGAAAAAGGCGCAGTTAAAGGTA
ACGACAAAGGAATGTTCGAGCCTGGAAAAGAATTAACTCGTGCAGAAGCA
GCTACAATGATGGCTCAAATCTTAAACTTACCAATCGATAAAGATGCTAA
ACCATCTTTCGCTGACTCTCAAGGCCAATGGTACACTCCATTCATCGCAG
CTGTAGAAAAAGCTGGCGTTATTAAAGGTACAGGAAACGGCTTTGAGCCA
AACGGAAAAATCGACCGCGTTTCTATGGCATCTCTTCTTGTAGAAGCTTA
CAAATTAGATACTAAAGTAAACGGTACTCCAGCAACTAAATTCAAAGATT
TAGAAACATTAAACTGGGGTAAAGAAAAAGCTAACATCTTAGTTGAATTA
GGAATCTCTGTTGGTACTGGTGATCAATGGGAGCCTAAGAAAACTGTAAC
TAAAGCAGAAGCTGCTCAATTCATTGCTAAGACTGACAAGCAGTTCGGTA
CAGAAGCAGCAAAAGTTGAATCTGCAAAAGCTGTTACAACTCAAAAAGTA
GAAGTTAAATTCAGCAAAGCTGTTGAAAAATTAACTAAAGAAGATATCAA
AGTAACTAACAAAGCTAACAACGATAAAGTACTAGTTAAAGAGGTAACTT
TATCAGAAGATAAAAGATCTGCTACAGTTGAATTATATAGTAACTTAGCA
GCTAAACAAACTTACACTGTAGATGTAAACAAAGTTGGTAAAACAGAAGT
AGCTGTAGGTTCTTTAGAAGCAAAAACAATCGAAATGGCTGACCAAACAG
TTGTAGCTGATGAGCCAACAGCATTACAATTCACAGTTAAAGATGAAAAC
GGTACTGAAGTTGTTTCACCAGAGGGTATTGAATTTGTAACGCCAGCTGC
AGAAAAAATTAATGCAAAAGGTGAAATCACTTTAGCAAAAGGTACTTCAA
CTACTGTAAAAGCTGTTTATAAAAaAGACGGTAAAGTAGTAGCTGAAAGT
AAAGAAGTAAAAGTTTCTGCTGAAGGTGCTGCAGTAGCTTCAATCTCTAA
CTGGACAGTTGCAGAACAAAATAAAGCTGACTTTACTTCTAAAGATTTCA
AACAAAACAATAAAGTTTACGAAGGCGACAACGCTTACGTTCAAGTAGAA
TTGAAAGATCAATTTAACGCAGTAACAACTGGAAAAGTTGAATATGAGTC
GTTAAACACAGAAGTTGCTGTAGTAGATAAAGCTACTGGTAAAGTAACTG
TATTATCTGCAGGAAAAGCACCAGTAAAAGTAACTGTAAAAGATTCAAAA
GGTAAAGCACTTGTTTCACACACAGTTGAAATTGAAGCTTTCGCTCAAAA
AGCAATGAAAGACATTAAATTAGAAAAAACTAACGTAGCGCTTTCTACAA
AAGATGTAACAGATTTAAAAGTAAAAGCTCCAGTACTAGATCAATACGGT
AAAGAGTTTACAGCTCCTGTAACAGTGAAAGTACTTGATAAAGATGGTAA
AGAATTAAAAGAACAAAAATTAGAAGCTAAATATGTGAACAGAGAATTAG
TTCTGAATGCAGCAGGTCAAGAAGCTGGTAATTATACAGTTGTATTAACT
GCAAAATCTGGTGAAAAAGAAGCAAAAGCTACATTAGCTCTAGAATTAAA
AGCTCCAGGTGCATTCTCTAAATTTGAAGTTCGTGGTTTAGACACAGAAT
TAGATAAATATGTTACTGAGGAAAACCAAAAGAATGCAATGACTGTTTCA
GTTCTTCCTGTAGATGCAAATGGATTAGTATTAAAAGGTGCAGAAGCAGC
TGAACTAAAAGTAACAACAACAAACAAAGAAGGTAAAGAAGTAGACGCAA
CTGATGCACAAGTTACTGTACAAAATAACAGTGTAATTACTGTTGGTCAA
GGTGCAAAAGCTGGTGAGACTTATAAAGTAACAGTTGTACTAGATGGTAA
ATTAATCACAACTCATTCATTCAAAGTTGTTGATACAGCACCAACTGCTA
AAGGATTAGCAGTAGAATTTACAAGCACATCTCTTAAAGAAGTAGCTCCA
AATGCTGATTTAAAAGCTGCACTTTTAAATATCTTATCTGTTGATGGTGT
ACCTGCGACTACAGCAAAAGCAACAGCTTCTAATGTAGAATTTGTTTCTG
CTGACACAAATGTTGTAGCTGAAAATGGTACAGTTGGTGCAAAAGGTGCA
ACATCTATCTATGTGAAAAACCTGACAGTTGTAAAAGATGGAAAAGAGCA
AAAAGTAGAATTTGATAAAGCTGTACAAGTTGCAGTTTCTATTAAAGAAG

CAAAACCTGCAACAAAACATCACCATCACCATCACTAA

SEQ ID NO: 2 SAP nucleotide sequence

AAAACATTCCCAGACGTTCCTGCTGATCACTG
GGGAATTGATTCCATTAACTACTTAGTAGAAAAAGGCGCAGTTAAAGGTA
ACGACAAAGGAATGTTCGAGCCTGGAAAAGAATTAACTCGTGCAGAAGCA
GCTACAATGATGGCTCAAATCTTAAACTTACCAATCGATAAAGATGCTAA
ACCATCTTTCGCTGACTCTCAAGGCCAATGGTACACTCCATTCATCGCAG
CTGTAGAAAAAGCTGGCGTTATTAAAGGTACAGGAAACGGCTTTGAGCCA
AACGGAAAAATCGACCGCGTTTCTATGGCATCTCTTCTTGTAGAAGCTTA
CAAATTAGATACTAAAGTAAACGGTACTCCAGCAACTAAATTCAAAGATT
TAGAAACATTAAACTGGGGTAAAGAAAAAGCTAACATCTTAGTTGAATTA
GGAATCTCTGTTGGTACTGGTGATCAATGGGAGCCTAAGAAAACTGTAAC
TAAAGCAGAAGCTGCTCAATTCATTGCTAAGACTGACAAGCAGTTCGGTA
CAGAAGCAGCAAAAGTTGAATCTGCAAAAGCTGTTACAACTCAAAAAGTA
GAAGTTAAATTCAGCAAAGCTGTTGAAAAATTAACTAAAGAAGATATCAA
AGTAACTAACAAAGCTAACAACGATAAAGTACTAGTTAAAGAGGTAACTT
TATCAGAAGATAAAAGATCTGCTACAGTTGAATTATATAGTAACTTAGCA
GCTAAACAAACTTACACTGTAGATGTAAACAAAGTTGGTAAAACAGAAGT
AGCTGTAGGTTCTTTAGAAGCAAAAACAATCGAAATGGCTGACCAAACAG
TTGTAGCTGATGAGCCAACAGCATTACAATTCACAGTTAAAGATGAAAAC
GGTACTGAAGTTGTTTCACCAGAGGGTATTGAATTTGTAACGCCAGCTGC
AGAAAAAATTAATGCAAAAGGTGAAATCACTTTAGCAAAAGGTACTTCAA
CTACTGTAAAAGCTGTTTATAAAAaAGACGGTAAAGTAGTAGCTGAAAGT
AAAGAAGTAAAAGTTTCTGCTGAAGGTGCTGCAGTAGCTTCAATCTCTAA
CTGGACAGTTGCAGAACAAAATAAAGCTGACTTTACTTCTAAAGATTTCA
AACAAAACAATAAAGTTTACGAAGGCGACAACGCTTACGTTCAAGTAGAA
TTGAAAGATCAATTTAACGCAGTAACAACTGGAAAAGTTGAATATGAGTC
GTTAAACACAGAAGTTGCTGTAGTAGATAAAGCTACTGGTAAAGTAACTG
TATTATCTGCAGGAAAAGCACCAGTAAAAGTAACTGTAAAAGATTCAAAA
GGTAAAGCACTTGTTTCACACACAGTTGAAATTGAAGCTTTCGCTCAAAA
AGCAATGAAAGACATTAAATTAGAAAAAACTAACGTAGCGCTTTCTACAA
AAGATGTAACAGATTTAAAAGTAAAAGCTCCAGTACTAGATCAATACGGT
AAAGAGTTTACAGCTCCTGTAACAGTGAAAGTACTTGATAAAGATGGTAA
AGAATTAAAAGAACAAAAATTAGAAGCTAAATATGTGAACAGAGAATTAG
TTCTGAATGCAGCAGGTCAAGAAGCTGGTAATTATACAGTTGTATTAACT
GCAAAATCTGGTGAAAAAGAAGCAAAAGCTACATTAGCTCTAGAATTAAA
AGCTCCAGGTGCATTCTCTAAATTTGAAGTTCGTGGTTTAGACACAGAAT
TAGATAAATATGTTACTGAGGAAAACCAAAAGAATGCAATGACTGTTTCA
GTTCTTCCTGTAGATGCAAATGGATTAGTATTAAAAGGTGCAGAAGCAGC
TGAACTAAAAGTAACAACAACAAACAAAGAAGGTAAAGAAGTAGACGCAA
CTGATGCACAAGTTACTGTACAAAATAACAGTGTAATTACTGTTGGTCAA
GGTGCAAAAGCTGGTGAGACTTATAAAGTAACAGTTGTACTAGATGGTAA
ATTAATCACAACTCATTCATTCAAAGTTGTTGATACAGCACCAACTGCTA
AAGGATTAGCAGTAGAATTTACAAGCACATCTCTTAAAGAAGTAGCTCCA
AATGCTGATTTAAAAGCTGCACTTTTAAATATCTTATCTGTTGATGGTGT
ACCTGCGACTACAGCAAAAGCAACAGCTTCTAATGTAGAATTTGTTTCTG
CTGACACAAATGTTGTAGCTGAAAATGGTACAGTTGGTGCAAAAGGTGCA
ACATCTATCTATGTGAAAAACCTGACAGTTGTAAAAGATGGAAAAGAGCA
AAAAGTAGAATTTGATAAAGCTGTACAAGTTGCAGTTTCTATTAAAGAAG

CAAAACCTGCAACAAAACATCACCATCACCATCACTAA